

Estudio filogenético y poblacional de ctenómidos de la R. Pampeana

INTRODUCCIÓN

Ctenomys es el género con mayor número de especies entre los roedores subterráneos, que se distribuyen en la región Neotropical, sub-región Patagónica.

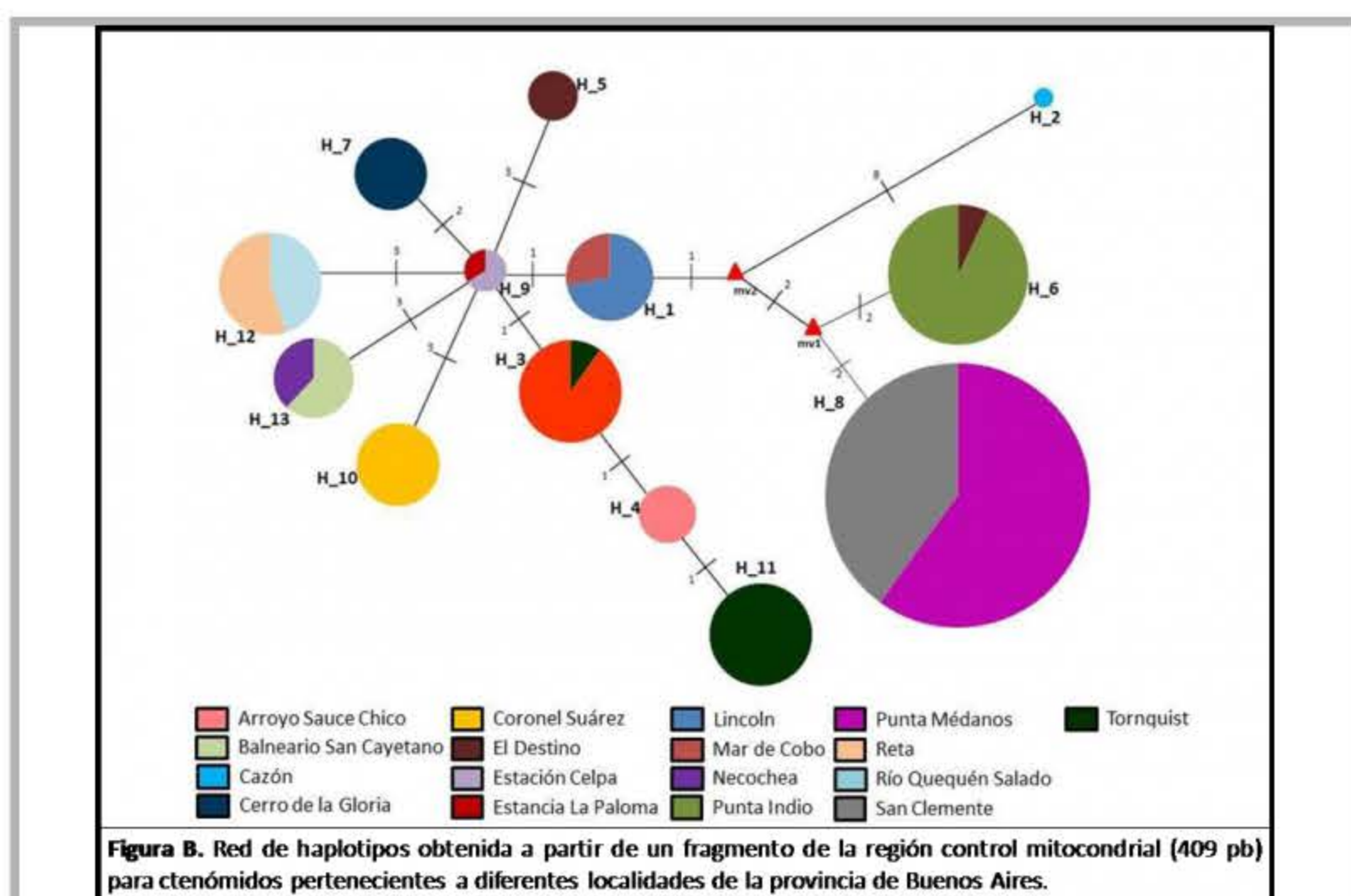
En este trabajo se analizaron poblaciones del noroeste de la provincia de Buenos Aires (Lincoln y Cazón) que aún no han sido bien estudiadas para definir su ubicación taxonómica y caracterizar la variabilidad genética existente en las mismas.

OBJETIVOS

- 1) Inferir las relaciones filogenéticas para los ctenómidos del noroeste de la provincia de Buenos Aires y en relación a otras especies de grupos filogenéticos no emparentados.
- 2) Caracterizar la variabilidad genética inter e intra-poblacional a través de marcadores moleculares mitocondriales (citocromo b "Cytb" y región control) y comparar los patrones filogeográficos obtenidos para las poblaciones de la región pampeana.

METODOLOGÍA

Se tomaron muestras de tejido en cada localidad de las cuales se extrajo ADN total para luego amplificar, por PCR, los fragmentos de interés. Se obtuvo su secuencia y a partir de las mismas se analizaron las relaciones filogenéticas y haplotípicas inter e intra-poblacionales.



Cecilia S. Carnovale

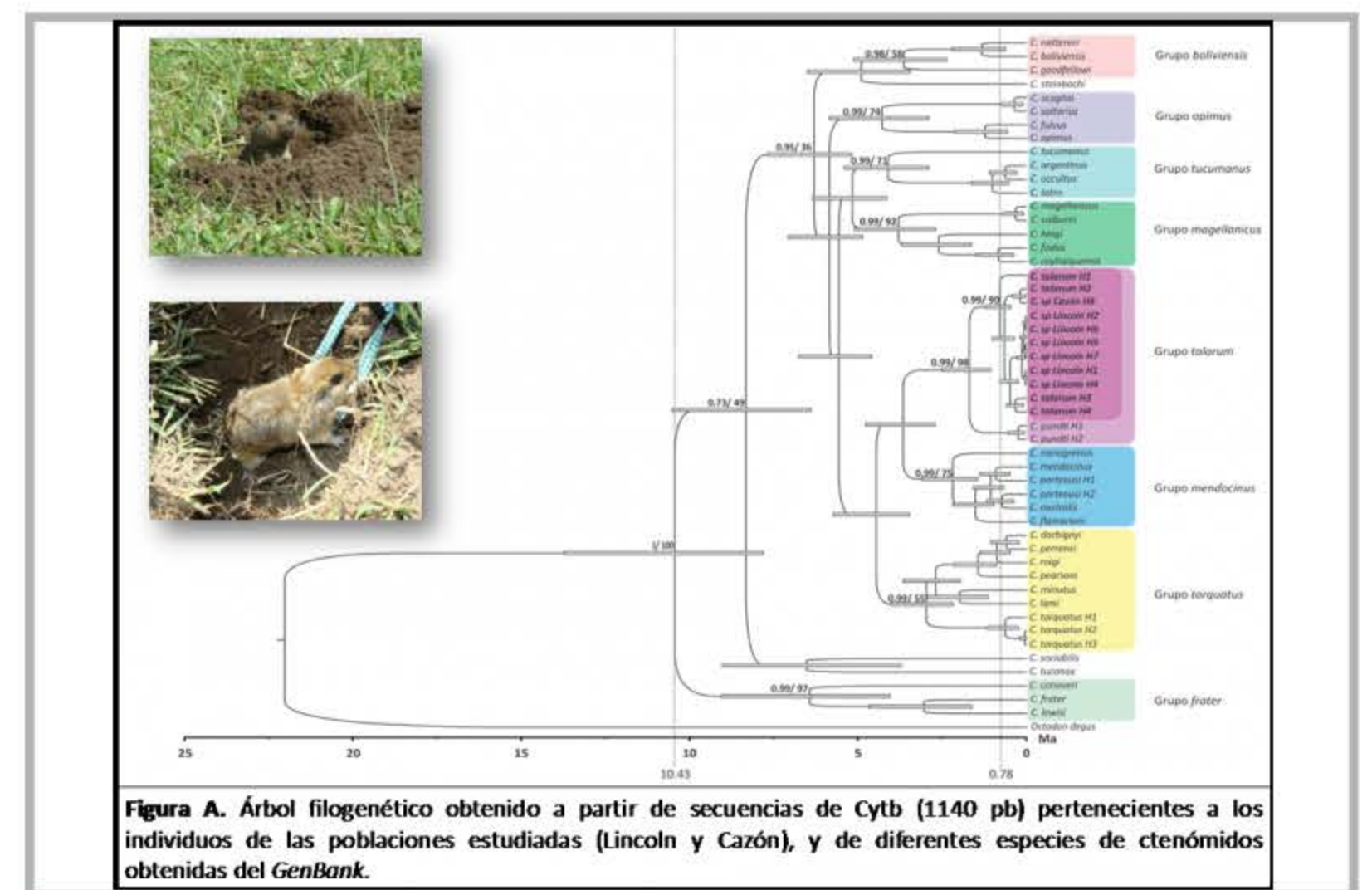
Licenciado en Genética. UNNOBA

Centro de Bioinvestigaciones-UNNOBA

Gabriela P. Fernández

Matías S. Mora

Ciencias Biológicas, Ambiente y Salud
ceci.carnovale@gmail.com



RESULTADOS

Para Cytb se obtuvieron dos nuevos haplotipos (uno para Lincoln y otro para Cazón). Los análisis filogenéticos agrupan en un mismo clado a las poblaciones estudiadas junto a aquellas ya asignadas a la especie *C. talarum* (Figura A). Para la región control se obtuvo un nuevo haplotipo para Cazón (H2) y un único haplotipo para Lincoln (H1), ya reportado para mar de Cobo (Figura B).

CONCLUSIONES

La variabilidad genética de Lincoln fue baja, lo cual era esperado por tratarse de una población pequeña y aislada. Los resultados sugieren que los individuos estudiados pertenecen a la especie *C. talarum*. Que Lincoln Y Mar de Cobo compartan un mismo haplotipo, sugiere que las poblaciones costeras se originaron en el centro de la provincia o habrían tenido una distribución más amplia en el pasado.